

ОГЛАВЛЕНИЕ

| | |
|---|-----------|
| Предисловие Л. А. Остермана | 6 |
| Предисловие Е. Д. Свердлова | 7 |
| Список сокращений..... | 8 |
| Перечень компаний, упомянутых в тексте | 9 |
| Глава 1. Что такое ПЦР | 10 |
| 1.1. Изобретение ПЦР | 10 |
| 1.2. Изобретение ПЦР «в реальном времени» | 12 |
| 1.3. Отличие анализа продуктов ПЦР «по конечной точке» и «в реальном времени» | 14 |
| 1.4. Развитие ПЦР «в реальном времени» как диагностического инструмента | 14 |
| Глава 2. Основы полимеразной цепной реакции | 19 |
| 2.1. Общие сведения о ПЦР | 19 |
| 2.2. Организация ПЦР-лаборатории | 20 |
| 2.3. Оборудование и материалы для ПЦР | 22 |
| 2.4. Свойства олигонуклеотидов (праймеров и проб) | 26 |
| 2.5. Влияние ионов Mg^{2+} | 29 |
| 2.6. Свободные дезоксирибонуклеотидтрифосфаты (dNTPs) .. | 29 |
| 2.7. Влияние pH | 30 |
| 2.8. Минеральное масло | 30 |
| 2.9. Другие компоненты, добавление которых влияет на ПЦР | 30 |
| 2.10. Ферменты, используемые в ПЦР | 31 |
| 2.11. Программы амплификации..... | 32 |
| 2.12. «Горячий старт» (hot start) | 36 |
| Глава 3. Оборудование для ПЦР «в реальном времени» | 39 |
| 3.1. Устройство детектирующих амплификаторов | 39 |
| 3.2. Основные функциональные узлы | 39 |
| 3.3. Обзор характерных разновидностей приборов..... | 52 |
| 3.4. Тенденции развития оборудования для ПЦР «в реальном времени» | 64 |
| Глава 4. Визуализация накопления ДНК при проведении ПЦР «в реальном времени» | 65 |
| 4.1. Флуоресценция | 65 |
| 4.2. Флуорофоры | 66 |
| 4.3. Гасители флуоресценции..... | 69 |

| | |
|--|------------|
| 4.4. Неспецифичные системы детекции | 73 |
| 4.5. Специфичные системы детекции | 76 |
| Глава 5. Дизайн праймеров и проб, программы амплификации | 85 |
| 5.1. Параметры, влияющие на взаимодействие олигонуклеотида и ДНК | 85 |
| 5.2. Выбор последовательности проб | 94 |
| 5.3. Программное обеспечение для дизайна праймеров и проб | 95 |
| 5.4. Особенности систем праймеры–проба | 96 |
| 5.5. Особенности программ амплификации для ПЦР «в реальном времени» | 96 |
| Глава 6. Особенности очистки нуклеиновых кислот для ПЦР «в реальном времени» | 101 |
| 6.1. Общие принципы очистки нуклеиновых кислот для использования в ПЦР | 101 |
| 6.2. Особенности взятия биоматериала для клинических ПЦР-исследований и риск контаминации | 103 |
| 6.3. Особенности методов очистки НК для ПЦР «в реальном времени» | 105 |
| 6.4. Типовые ошибки использования ПЦР «в реальном времени», связанные с количеством нуклеиновых кислот, забираемых в реакцию | 106 |
| Глава 7. Анализ данных ПЦР «в реальном времени» | 109 |
| 7.1. Методы и средства анализа графиков накопления ДНК | 109 |
| 7.2. Простая модель ПЦР | 111 |
| 7.3. Связь флуоресцентного сигнала и накопления ДНК в ходе ПЦР | 113 |
| 7.4. Пороговый метод сравнения графиков накопления ДНК (C_t) | 114 |
| 7.5. Определение эффективности ПЦР | 118 |
| 7.6. Недостатки порогового метода и пути их преодоления | 122 |
| 7.7. Методы прямого сравнения графиков накопления ДНК (C_p) | 129 |
| 7.8. Комбинация методов C_t и C_p | 134 |
| Глава 8. Определение уровня представленности транскриптов | 141 |
| 8.1. Организация эксперимента | 141 |
| 8.2. Абсолютное определение уровня представленности транскриптов | 151 |
| 8.3. Относительное определение уровня представленности транскриптов | 155 |
| 8.4. Нормировка данных | 156 |
| 8.5. Внутренний контрольный образец | 160 |

| | |
|---|------------|
| 8.6. Отрицательный контрольный образец | 161 |
| Глава 9. Количественное определение вирусной нагрузки | 165 |
| 9.1. Количественное определение вирусной нагрузки | 165 |
| 9.2. Источники погрешностей и варианты учета потерь и эффективности реакции | 182 |
| Глава 10. Использование ПЦР «в реальном времени» для определения однонуклеотидного полиморфизма | 188 |
| 10.1. Однонуклеотидный полиморфизм последовательностей ДНК | 188 |
| 10.2. Идентификация ОНП с помощью аллель-специфичных праймеров | 190 |
| 10.3. Дифференциация аллелей с помощью олигонуклеотидных проб | 196 |
| 10.4. Генотипирование ОНП методом плавления ДНК-дуплексов | 199 |
| Глава 11. Определение относительного содержания нукleinовых кислот на примере генетически модифицированных источников | 202 |
| 11.1. Общие сведения о ГМИ | 202 |
| 11.2. Классификация существующих методов определения ГМИ в продуктах питания | 202 |
| 11.3. Организация чужеродной ДНК в геноме растений | 205 |
| 11.4. Выбор последовательностей-мишеней для выявления чужеродной ДНК в геноме растения | 205 |
| 11.5. Тест-системы для определения процентного содержания чужеродной ДНК относительно геномной ДНК растений | 207 |
| 11.6. Выбор чужеродной и нормировочной ДНК для количественного определения ГМИ | 210 |
| 11.7. Калибровочные образцы | 211 |
| 11.8. Точность метода определения процентного содержания генетически модифицированных ингредиентов в пище с помощью метода ПЦР «в реальном времени» | 212 |
| Предметный указатель | 216 |